



**受託**

## 質量分析によるタンパク質解析

日頃は、総合研究支援センターの運営に対し、ご協力ならびにご支援をいただき有り難うございます。

先端医研では、プロテオミクス研究をサポートさせていただくため、平成24年6月1日より下記3項目の受託を開始いたします。これまでと同じ分析「LC/MS/MSによるタンパク質同定」の受託料金が安くなり、Mascot 検索による修飾部位解析も追加されました。タンパク質を研究される皆様に信頼性の高い結果をご提供いたします。詳細内容やご不明な点は、担当者までお問い合わせください。皆様のご利用をお待ちしております。



**【A1a】これまでと同じ分析がお安く！**

**【A1b】酵素消化済みサンプルでさらにお安く！**

**もっと詳細に... Mascot 修飾解析を追加！**

解析項目	内容
<b>【A1a】</b> LC/MS/MS によるタンパク質同定 a	タンパク質の酵素消化 LC/MS/MS Mascot 検索 タンパク質同定・修飾解析
<b>【A1b】</b> LC/MS/MS によるタンパク質同定 b	LC/MS/MS Mascot 検索 タンパク質同定・修飾解析
<b>【B】</b> Mascot 検索によるタンパク質解析	Mascot 検索 タンパク質同定・修飾解析

研究支援ネットワークシステムの医学部受託サービスに掲載しております。

**目的**

タンパク質の同定および修飾部位解析

**サンプル形態**

ゲル片 (CBB 染色、質量分析用銀染色、SYPRO Ruby 染色など)、溶液、凍結乾燥品

**分析装置**

LC/MS/MS <sup>1</sup> : CapLC (Waters), Q-ToF Ultima API (Waters-Micromass)  
データベース検索 <sup>2</sup> : Mascot (Matrix Science)

<sup>1</sup> 疾患プロテオゲノム研究センター所有 <sup>2</sup> 薬学部所有 ご協力に感謝いたします。



**お問い合わせ**

質量分析担当 佐川 幾子

TEL : 内線 2574

E-mail : isagawa@basic.med.tokushima-u.ac.jp